

CARTERA DE PRESTACIONES DE PATOLOGÍA MOLECULAR

FISH

FISH EN TUMORES LINFOPROLIFERATIVOS

TRASLOCACIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA (días lab)
LSI ALK (2p23) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	53205J89-001	7
LSI BCL6 (3q27) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	53201N23-020	7
LSI REOR BCL2 (18Q21) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	53205N51-020	7
LSI CCDN1 (11Q13) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	53205N38-020	7
LSI MALT1 (18Q21) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	53205N48-020	7
LSI REOR MYC (8q24) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	53201N63-020	7
LSI IGH Dual Color, Break Apart Rearrangement Probe (19q32)	vysis/abbott molecular	471106	7
XL CLL ATM/TP53 & DLEU/LAMP/12cen	MetaSystems Probes	D-5044-10--TC 10	7

FISH EN TUMORES SÓLIDOS

DELECCIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
LSI 1p36/1q25 y 19q13/19p13	vysis/abbott molecular	53232-231004	7

AMPLIFICACIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
LSI EGFR (erb-1) CEP 7	vysis/abbott molecular	53232-191053	7
LSI HER2/NEU SPECTRUM/CEP 17	vysis/abbott molecular	53230-161060	7
HER2/CEN-17 IQFISH	Dako	K5731	7
ON C-MET (7q31)/SE 7	Kreatech diagnostics	KBI-10719	7
ON FGFR1 (8p12) Break	Kreatech diagnostics		7
FGFR2 (10q26)/SE10	Kreatech diagnostics		7
FGFR4 (5q35)/5q11,2	Kreatech diagnostics		7

TRASLOCACIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
LSI SYT (18q 11.2) BREAK APART	vysis/abbot molecular	03N61-020	7
FISH LSI ALK (2p23) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	53205J89-001	7
LSI DDIT3 (12q13) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott molecular	03N57-020	7
LSI EWSRI (22q12) BREAK APART	vysis/abbott molecular	03N59-020	7
MELANOMA MULTIPROBE SET (RREB1, CCDN1, MYB, CEP6)	vysis/abbot molecular	53201N89-020	7
ON RET (10q11) Break	Kreatech diagnostics	KBI-10753	7
LSI ROS1 (Cen) 6q22.1 LSI ROS1 (Tel) 6q22.1	vysis/abbott molecular	08N07-020; 08N05-020	7
ON FGFR3/IGH t(4;14) Fusion	Kreatech diagnostics		7

PCR

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
Extracción DNA	roche	5985536190	4
Extracción RNA	Qiagen Iberia	73504	4
Extracción Secuencial DNA Y RNA	Thermo Fisher Scientific	AM1975	4
MUTACIONES GEN BRAF V600	roche	5985595190	7
Mutaciones:	Exón 15: V600E/V600K/V600E		
MUTACIONES DEL GEN DEL EGFR	roche	7248563190	7
Mutaciones:	<p>Exón 18: 2155 G>A, 2155 G>T, 2156 G>C</p> <p>Exón 19: 2235_2249del15, 2236_2250del15, 2240_2257del18, 2240_2254del15, 2239_2256del18, 2239_2251>C, 2237_2251del15, 2237_2255>T, 2239_2248TTAAGAGAAG>C, 2239_2253del15, 2239_2247del9, 2235_2252>AAT, 2236_2253del18, 2237_2254del18, 2238_2255del18, 2238_2248>GC, 2238_2252>GCA, 2239_2258>CA, 2240_2251del12, 2233_2247del15, 2253_2276del24, 2235_2248>AATTC, 2237_2252>T, 2235_2251>AATTC, 2235_2255>AAT, 2237_2253>TTGCT, 2237_2257>TCT, 2238_2252del15, 2239_2256>CAA, 2240T>C</p> <p>Exón 20: 2303 G>T, 2369 C>T, 2319_2320insCAC, 2310_2311insGGT, 2307_2308ins9GCCAGCGTG, 2309_2310AC>CCAGCGTGGAT, 2311_2312ins9GCGTGGACA</p> <p>Exón 21: 2573 T>G, 2573_2574TG>GT</p>		
MUTACIONES DEL GEN DEL EGFR	Qiagen Iberia	870111	7
Mutaciones:	<p>Exón 18: 2156G>C, 2155G>A, 2155G>T</p> <p>Exón 19: 2235_2249del15, 2235_2252>AAT, 2236_2253del18, 2237_2251del15, 2237_2254del18, 2237_2255>T, 2236_2250del15, 2238_2255del18, 2238_2248>GC, 2238_2252>GCA, 2239_2247del9, 2239_2253del15, 2239_2256del18, 2239_2248TTAAGAGAAG>C, 2239_2258>CA, 2240_2251del12, 2240_2257del18, 2240_2254del15, 2239_2251>c</p> <p>Exón 20: 2369C>T, 2303G>T, 2307_2308ins9, 2319_2320insCAC, 2310_2311insGGT.</p> <p>Exón 21: 2573T>G, 2582T>A</p>		
MUTACIONES GEN K-RAS	roche	5366216190	7
Mutaciones:	<p>Exón 2</p> <p>Codón 12: 34G>T, 34G>A, 34G>C, 35G>T, 35G>A, 35G>C</p> <p>Codón 13: 37G>T, 37G>A, 37G>C, 38G>A, 38G>C, 38G>T.</p>		

Exón 3

Codón 61: 181C>A, 181C>G, 182A>C, 182A>G, 182A>T, 183A>C, 183A>T

Therascreen KRAS RGQ	Qiagen Iberia	870011	7
-----------------------------	---------------	--------	---

Mutaciones:	Exón 2 Codón 12: G12A, G12D, G12R, G12C, G12S, G12V Codón 13: G13D
--------------------	---

Therascreen KRAS PYRO	Qiagen Iberia	971460	7
------------------------------	---------------	--------	---

Mutaciones:	Exón 2 Codón 12: G12D, G12V, G12C, G12S, G12A, G12R Codón 13: G13D Exón 3 Codón 59: A59T, A59G Codón 61: Q61H, Q61L, Q61R, Q61E Exón 4 Codón 117: K117N Codón 146: A146T, A146P, A146V
--------------------	---

Therascreen NRAS PYRO	Qiagen Iberia	971460	7
------------------------------	---------------	--------	---

Mutaciones:	Exón 2 Codón 12: G12S, G12C, G12R, G12D, G12V, G12A Codón 13: G13S, G13C, G13R, G13D, G13V, G13A Exón 3 Codón 59: A59T, A59G Codón 61: Q61K, Q61R, Q61L, Q61H, Q61Q Exón 4 Codón 117: K117N Codón 146: A146T, A146P, A146V
--------------------	---

KIT DE MUTACIONES DEL GEN DEL PI3K exones 1, 4, 7, 9 y 20	Roche	6523013190	7
--	-------	------------	---

Mutaciones:	R88Q, N345K, C420R, E542K, E545X (E545A, E545D, E545G, or E545K), Q546X (Q546E, Q546K, Q546L, or Q546R), M1043I, H1047X (H1047L, H1047R, or H1047Y), G1049R.
--------------------	--

Mutación D865N en NFKB2	SIGMA/Roche		7
---------------------------------------	-------------	--	---

Mutación R175H en TP53	SIGMA/Roche		7
--------------------------------------	-------------	--	---

Mutación D355N en SMAD4	SIGMA/Roche		7
---------------------------------------	-------------	--	---

Mutación D661E en NOTCH2	SIGMA/Roche		7
--	-------------	--	---

Mutación E307K en PTEN	SIGMA/Roche		7
Mutación L265P en MYD88	SIGMA/Roche		7
Mutaciones en BCL2	SIGMA/Roche		7
Mutaciones:	R33R, D34H, G36D/G, A43T/A, A45T, S70S y D102D		
Reordenamientos gen IGH (Secuencias FR1, FR2, FR3)	SIGMA		7
Reordenamientos gen TCR (Secuencias Beta)	SIGMA		7
Reordenamientos gen TCR (Secuencias Gamma)	SIGMA		7
Reordenamientos Cadenas Ligeras (K, Kdel, L)	SIGMA		7
Mutaciones puntuales en HER2 por pirosecuenciación	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	S310F, R678Q, L755S, V777L, V842I		
Mutaciones puntuales en HER3 por pirosecuenciación exón 3, 8 y 9	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Exón 3: M91I, V104M/L, D297Y/N/V, E332K		
Presencia de mutación EGFR Viii exones del 1 al 8 en mRNA	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Unión exón 1 con el 8 : GGT		
Mutaciones en c-MET por pirosecuenciación exón 19	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Y1253D, Y1248C, T1275I		
Mutaciones puntuales en IDH-1 por pirosecuenciación	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Codón 132 G395A, C394A, C394T, C394G, G395T, C394G, G395T		
Mutaciones puntuales en IDH-2 por pirosecuenciación	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Codón 172 R172K; R172W; R172M; R172G		
Therascreen MGMT PYRO KIT metilación	Qiagen Iberia	971061	7

Mutaciones PDGFRA		Qiagen Iberia	971510	7
Mutaciones:	Exón 18 2525A>T, 2524G>T, 2524_2535del12, 2526_2537del12, 2527_2538del12, 2528_2539del12, 2530_2541del12, 2524_2532del9, 2524_2526delGAC, 2526_2538>G, 2524_2526GAC>TAT			
Mutaciones CKIT				
Mutaciones:	Exón 9: 1509_1510insGCCTAT	Qiagen	971510	7
	Exón 11: Secuenciación Sanger			7
	Exón 17: D816V	AmoyDx	ADx-CK01/	7
Expresión de SPARC		SIXMEX		7
Expresión ALDH1A1		SIGMA		7
Expresión ERCC1		SIGMA		7
Inestabilidad de Microsatélites		SIGMA		7
Marcadores:	BAT25, BAT26, NR-21, NR22 y NR-24			
Genotipado del Virus de HPV		GENOMICA	AT-0115-16/CS-0215-16	7
Genotipos:	6, 11, 16, 18, 26, 31, 33, 35, 39, 40, 42, 43, 44, 45, 51, 52, 53, 54, 56, 58, 59, 61, 62, 66, 68a y b, 70, 71, 72, 73, 81, 82, 83, 84, 85 y 89			
RNA-ONCOPANEL Pan Cancer -TruSight RNA Pan-Cancer Panel		Illumina	RS-303-1002 y MS-102-3001	21
Genes	1385 GENES RELACIONADOS CON CÁNCER			
PANEL BRCA SOMÁTICO -BRCA Tumor MASTR Plus Dx		Illumina	MR-2015.024	21
Genes	BRCA1 y BRCA2			
PANEL Linfomas B Célula Pequeña-TRUSEQ CUSTOM AMPLICON LOW INPUT SMALL B-CELL LYMPHOMA		Illumina	FC-134-2002/ID077522; FC-134-2002/ID105079	21
Genes	ARID1A, ATM, BIRC3, BRAF, BTK, CCND1, CCND3, CHD2, CXCR4, KLF2, MAP2K1, MAP3K14, MEF2B, MLL2, MYD88, NFKBIE			

PANEL Linfomas B Célula Grande-TRUSEQ CUSTOM AMPLICON LOW INPUT Large B-CELL LYMPHOMA	illumina	FC-134-2002/077521; FC-134-2002/ID105191	21
--	----------	--	----

Genes	ARID1A, ATM, ATP6AP1, ATP6V1B2, B2M, BCL2, BRAF, BTK, CARD11, CCND3, CD79A, CD79B, CREBBP, CXCR4, EP300, EZH2, FAT2, FOXO1, ID3, MEF2B, MLL2 (KMT2D), MYC, MYD88, NOTCH1, NOTCH2, PIM1, PLCG2, PRDM1, PTPN1, RRAGC, SGK1, SMARCA4, STAT3, STAT6, TCF3, TNFAIP3, TNFRSF14, TP53.		
--------------	---	--	--

BIOPSIA LÍQUIDA EGFR COBAS	Exón 18: 2155 G>A, 2155 G>T, 2156 G>C	Roche	7248563190	7
-----------------------------------	--	-------	------------	---

Exón 19: 2235_2249del15, 2236_2250del15, 2240_2257del18, 2240_2254del15, 2239_2256del18, 2239_2251>C, 2237_2251del15, 2237_2255>T, 2239_2248TTAAGAGAAG>C, 2239_2253del15, 2239_2247del9, 2235_2252>AAT, 2236_2253del18, 2237_2254del18, 2238_2255del18, 2238_2248>GC, 2238_2252>GCA, 2239_2258>CA, 2240_2251del12, 2233_2247del15, 2253_2276del24, 2235_2248>AATTC, 2237_2252>T, 2235_2251>AATTC, 2235_2255>AAT, 2237_2253>TTGCT, 2237_2257>TCT, 2238_2252del15, 2239_2256>CAA, 2240T>C

Exón 20: 2303 G>T, 2369 C>T, 2319_2320insCAC, 2310_2311insGGT, 2307_2308ins9GCCAGCGTG, 2309_2310AC>CCAGCGTGGAT, 2311_2312ins9GCGTGGACA

Exón 21: 2573 T>G, 2573_2574TG>GT

BIOPSIA LÍQUIDA BEAming EGFR	Exón 18: 2155 G>A, 2155 G>T, 2156 G>C	Systemex	ZR150220	14
-------------------------------------	--	----------	----------	----

Exón 19: 2235_2249del15, 2236_2250del15, 2240_2257del18, 2240_2254del15, 2239_2256del18, 2239_2251>C, 2237_2251del15, 2237_2255>T, 2239_2248TTAAGAGAAG>C, 2239_2253del15, 2239_2247del9, 2235_2252>AAT, 2236_2253del18, 2237_2254del18, 2238_2255del18, 2238_2248>GC, 2238_2252>GCA, 2239_2258>CA, 2240_2251del12, 2233_2247del15, 2253_2276del24, 2235_2248>AATTC, 2237_2252>T, 2235_2251>AATTC, 2235_2255>AAT, 2237_2253>TTGCT, 2237_2257>TCT, 2238_2252del15, 2239_2256>CAA, 2240T>C

Exón 20: 2369 C>T, 2388-2389 CT>AA, 2389 T>A, 2390 G>C

Exón 21: 2573 T>G, 2582 T>A

BIOPSIA LÍQUIDA Idylla ctRAS	ctKRAS + ctNRAS BRAF codón 12, 13, 59, 61, 117, 146	Biocartis	A0080-6 A0090-6	7
-------------------------------------	--	-----------	--------------------	---

PROSIGNA	Tipificación mediante expresión génica de tumores de mama invasivos.	nanoString Technologies	LBL-C0191-08	7
-----------------	--	-------------------------	--------------	---